

A3 : Etude comparative de la structure de divers noyaux de population et de l'évolution de leur dynamique par suivi génétique.

> ACTION TERMINEE

Cette action s'appuie sur la mise au point et la validation d'outils génétiques sur fèces réalisé dans le cadre Plan National d'Actions. L'objectif est de s'interroger sur la structuration de 6 noyaux de populations différentes (6 sites Natura2000 répartis sur la chaîne des Pyrénées), de les comparer et d'évaluer leur dynamique. Ces noyaux de population ont été choisis selon des contextes géographiques et climatiques variés et soumis à des pressions anthropiques différentes. La méthodologie employée pour tenter d'y répondre consiste à réaliser un suivi répété sur 6 sections de cours d'eau de 250 mètres inclus dans un linéaire de rivière de 3 km.

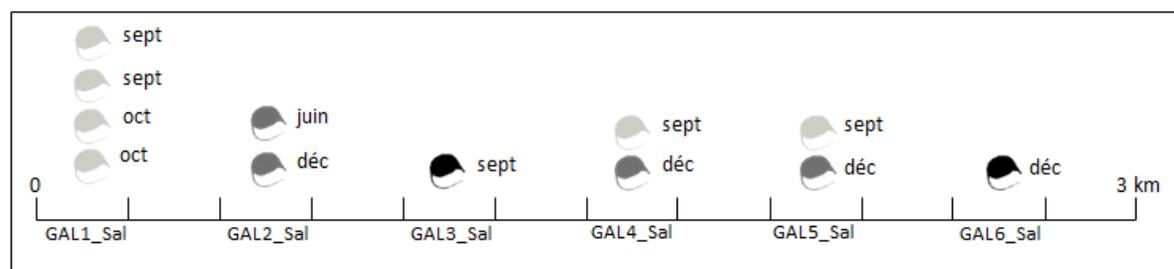
Cette étude a confirmé le caractère nomade et non territorial du Desman des Pyrénées, avec des déplacements de plus de 2 km en moins de deux mois sur l'Oriège, ou encore des densités minimales de quatre individus sur une portion de 250 mètres seulement sur le Salat et sur deux mois.

Elle a également permis de montrer l'efficacité des prospections avec 100% des échantillons prélevés et considérés comme appartenant au Desman des Pyrénées identifiés comme tels après analyses génétiques.

Cette étude a aussi pointé l'importance de la continuité écologique et son maintien dans les projets d'aménagements de cours d'eau, afin de ne pas fragmenter les populations en empêchant les flux d'individus et le mélange des populations génétiques.



Le rapport détaillé de cette action est téléchargeable au format PDF dans la partie Outils de communication/Documents techniques/Bibliographie.



Répartition des individus génétiquement identifiés sur le tronçon de 3 km du Salat © CEN MP
(gris clair : année 2014 ; gris foncé : année 2015 ; noir : année 2016)



Fèces de Desman sur un site du Haut Salat © CEN MP