

A3 : Etude comparative de la structure de divers noyaux de population et de l'évolution de leur dynamique par suivi génétique.

> ACTION TERMINEE

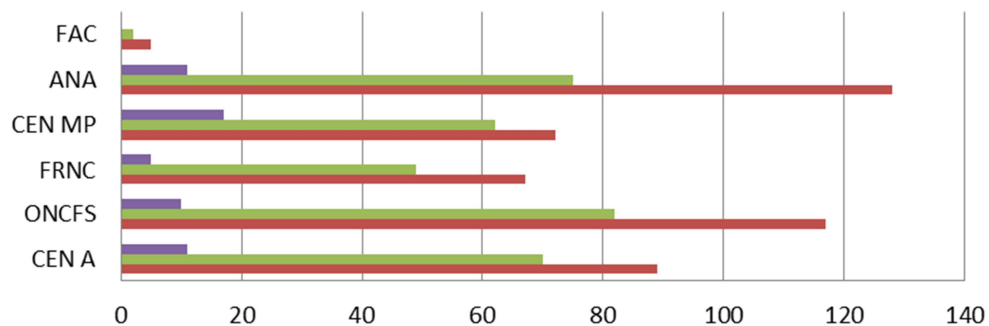
Cette action s'appuie sur la mise au point et la validation d'outils génétiques sur fèces réalisé dans le cadre Plan National d'Actions. L'objectif est de s'interroger sur la structuration de 6 noyaux de populations différentes (6 sites Natura2000 répartis sur la chaîne des Pyrénées), de les comparer et d'évaluer leur dynamique. Ces noyaux de population ont été choisis selon des contextes géographiques et climatiques variés et soumis à des pressions anthropiques différentes. La méthodologie employée pour tenter d'y répondre consiste à réaliser un suivi répété sur 6 sections de cours d'eau de 250 mètres inclus dans un linéaire de rivière de 3 km.

A ce jour, les outils génétiques, ne semble pas encore assez performants pour aborder des notions de structuration et de dynamique des populations à partir de fèces de Desman. Cependant cette étude a permis d'obtenir des informations précieuses sur la sélection de l'habitat par le Desman et souligne le fait que les densités de Desman sont probablement sous-estimées.



Le rapport détaillé de cette action est téléchargeable au format PDF dans la partie Outils de communication/Documents techniques/Bibliographie.

Bilan 2014-2015-2016



Fèces de Desman sur un site du Haut Salat © CEN MP

Tableau des résultats génétiques sur les 6 tronçons suivis génétiquement (action A3). Fèces analysées = nombre de fèces sélectionnées et analysées génétiquement ; Desman = nombre de fèces confirmées comme appartenant au Desman par la génétique ; N ind = nombre de fèces ayant permis l'identification génétique jusqu'à l'individu